

CONTEXTE

Les méthodes conventionnelles de recherche de mutations dans l'ADN manquent de sensibilité et d'exhaustivité. La mauvaise qualité de l'ADN extrait des biopsies paraffinées est responsable de 20% d'analyses infructueuses par séquençage nouvelle génération par la méthode Amplicon.

DESCRIPTION

La laboratoire a mis au point une méthode de séquençage nouvelle génération «One Shot» permettant la recherche de mutations responsables d'une quinzaine de cancers différents et liées à une AMM. La précision et la profondeur de l'analyse offre la possibilité de détecter ces mutations, même les plus rares, dans l'ADN circulant dans le plasma sanguin. Cette technologie aide l'oncologue dans son diagnostic et la stratégie thérapeutique à déployer.

AVANTAGES COMPÉTITIFS

- Analyse sur échantillons de sang et biopsies
- Un seul design pour plus de 15 cancers différents ciblés
- Haute précision, très peu de bruit de fond, détection de mutations rares
- Protocole développé pour une utilisation en routine immédiate et intégrable facilement dans une norme ISO
- Fluidité des analyses

SPÉCIFICATIONS TECHNIQUES

- Kit de théranostique
- Séquençage nouvelle génération
- Logiciel de détermination de l'indice de confiance
- Fluidité des analyses

Applications et Marchés

Analyse génétique

Recherche fondamentale et appliquée

Stade de développementStade actuel : TRL₄

Objectif : TRL 6

(Logiciel de détermination de l'indice de confiance)

Propriété intellectuelle

Dépôt d'une demande de brevet européen
07/2017

Partenariat recherché

Licences de brevet

Laboratoire

Plateforme de Transfert en Biologie
Cancérologique de Dijon



CONTACTEZ-NOUS

Daniel KIRCHHERR

+33 (0)7 76 16 66 90

daniel.kirchherr@sattge.fr

RETROUVEZ NOS OFFRES TECHNOLOGIQUES
<http://sattge.fr/fr/entreprise/offres-de-technologie>